

Journée AppliBUGS

Judi 15 décembre 2022 (10h-17h15)

Adresse : Salle e.068, Bâtiment Bouygues, CentraleSupélec,
Université Paris-Saclay, 9, 9 Bis, 9 Ter rue Joliot-Curie, Gif-
sur-Yvette

Programme

10h00-10h45 : **A Phylogenetic Model of the Evolution of Discrete Matrices for the Joint Inference of Lexical and Phonological Language Histories**

Robin Ryder (CEREMADE, Université Paris-Dauphine, Paris)

Pause-café

11h15-12h00 : **Inférence Bayésienne sur des modèles de Néoplasmes Myéloprolifératifs : de l'apparition au traitement**

Gurvan Hermange (MICS, CentraleSupélec, Gif-sur-Yvette)

12h00-12h45 : **Modèles spatio-temporels de distributions d'espèces à partir de données opportunités**

Florian Lasgorceux (BioSP, INRAE, Avignon)

Déjeuner buffet (sur place) : Inscription obligatoire sur

<https://evento.renater.fr/survey/inscription-applibugs-15-decembre-2022-8nbdjkk4>

14h00-14h45 : **runMCMC_btadjust : un projet de package R pour faciliter l'estimation rigoureuse des paramètres issus de méthode de Monte Carlo par chaîne de Markov**

Frédéric Gosselin (EFNO - Ecosystèmes forestiers, INRAE, Nogent-sur-Vernisson)

14h45-15h30 : **Une approche hiérarchique bayésienne pour évaluer l'impact des incertitudes dosimétriques sur l'estimation du risque de cancer induit par l'exposition au scanner pendant l'enfance**

Anaïs Foucault (LEPID, IRSN, Fontenay-aux-Roses)

Pause-café

15h45-16h30 : **Modèles de mélanges et réduction de dimension probabiliste pour données de comptage multivariées**

Nicolas Jouvin (MIA Paris-Saclay, INRAE, Palaiseau)

16h30-17h00 : **Discussion concernant la prochaine session AppliBugs**